AccuTOF CS(自然系 C403 室 ESI-MS) 簡易測定マニュアル

木越研内専用 2012/4/24 改訂

1. 機器の予約

<u>http://www.chem.tsukuba.ac.jp/accutof/CS.html</u>(学内専用)パスワード cs ラボ内担当:北(4526)、装置管理者:渕辺先生(4486)

- 2. 装置の立ち上げと準備
- ・ N₂ 再凝縮装置(本体左)①メインスイッチ ON、②圧力を調整、③バルブを open にする
- ・ MassCenter メイン アイコン開く
- ・「ファイル」→「プロジェクトを開く」→「D: kigoshi1」選んで開く
- ・「装置」→「MS 調整」:新たに調整画面が立ち上がる.画面下の2つの真空度をノートに記録
- ・ 隔離バルブ(本体銀色の筒)を開く(右→上→左)
- ・ 画面上に表示されている 排気完了 を 操作 に変更
- 「ファイル」→「MS 調整条件を開く」→ ファイル「ESI+_2000_1」or「ESI+_1000_1」を開く (標準は 2000、*m/z* 200 以下を特に観測したい時は 1000 のファイルを選択する)
- ・ 画面左タブ「検出部」を選び、イオン化電圧をノートに記録(デフォルト 2000V、1800~2500 変更可)
- ・ 画面左タブ「イオン源」を選び、「温度/ガス」内の<mark>ネブライジングガス</mark>と<mark>脱溶媒ガス</mark>のチェックを外す
- ・ シリンジに MeOH を入れ、手動で ~50 µL 注入してから、シリンジポンプにセット
- ・シリンジポンプの電源 ON、デフォルトの設定値 (10 µL/min) を確認して Run/Stop
- ・しばらく溶媒を流したら ネブライジングガスと脱溶媒ガス にチェックを入れ、観測されるイオンを確認
 → すぐにネブライジングガスと脱溶媒ガスのチェックを外す(こまめに N₂ ガスを切る)
 - → これを繰り返して、基準ピークの強度が安定するまで待つ
- 3. サンプル
- LRMS: 10⁻⁷ M メタノール溶液 1 µL (検出感度による)。
- HRMS: 10⁻⁶ M メタノール溶液 1 µL(検出感度による)。他に reserpine か、目的質量に近い
 PEG (PEG200,600,1000 など)の 10⁻⁶ M メタノール溶液 1 µL を用意する(標準物質)。

シリンジ操作:まず針先をキムワイプで拭く → HPLC 用 MeOH をシリンジ体積 1/10 程度入 れ、満タンまで空気を吸引 → 中身を捨てる → これを 5 回以上繰り返す → サンプルを吸引 して、空気を抜く → 針先をキムワイプで拭く → 注入

- 4. 測定
- ・先に ネブライジングガスと脱溶媒ガス にチェックを入れる
- ・ [MassCenter メイン] 画面の「分析」→「単発測定」
- ・新しく表示された画面で「次へ」 → データ名とデータフォルダ(日付+イニシャル)を入力 → 「次へ」
 →「既存の MS 測定条件を使う」を選び「ESI+_2000(1000)_1」を「参照」から読込む → 「完了」
- ・ ウィザード上書きしますか?と聞いてくるので「はい」を選択
 - → N₂ガスが自動で ON になり、2つのモニタ画面が起動したら、新しいウィンドウで「測定開始」
 - → [クロマトビューワ画面]に TIC が、[スペクトルビューワ画面]に MS がリアルタイムで表示される
- ・シリンジポンプから配管を外してサンプル1µLを注入し、シリンジポンプに再度接続する
- (HRMSの場合のみ)2分後に標準物質1µLを同様に注入する
- ・10分で測定終了(MassCenterメイン画面で「測定中止」すれば途中停止できデータは保存される)
- ・ <mark>終了後、すぐに [MS 調整マネージャ画面] の</mark>ネブライジングガスと 脱溶媒ガス のチェックを外す
- ・流路の洗浄 \rightarrow N₂ガスを流してベースライン安定化を確認(サンプルの MS が出なくなるまで洗浄する、 汚れが落ちない時は 50% MeOH \rightarrow MeOH で洗浄)
- 5. 終了時
- ・測定時(N₂ガスを流している時)の基準ピークと強度(MS画面上に表示)をノートに記録
- ・<mark>ネブライジングガス</mark>と<mark>脱溶媒ガス</mark>のチェックボックスを外す
- ・[MS 調整マネージャ画面]の上タブ 操作 を 排気完了 に変更
- ・シリンジポンプを止めて電源 OFF、中の溶媒を捨てる
- ・ 隔離バルブ (本体銀色の筒)を閉じる(右→下→左)
- クロマト画面2つと[MS調整マネージャ画面]を閉じる(ESI+_2000_1を変更するか聞いてくるので「いいえ」を選択して閉じる)
- ・ [MassCenter メイン画面] 閉じる → 「はい」を選択して終了(Windows は終了しない)
- ・N2 再凝縮装置(本体左)③バルブを close、①メインスイッチ OFF にする
- ・使用記録(研究室の通算時間など)

6. データ処理 (LRMS)

重要:質量補正は行わない、データ処理した MS のみ **PDF** で保存し、クロマト生データは保存しない

・[クロマトビューワ画面] と [スペクトルビューワ画面] を開く

(測定後は自動で表示される、または [MassCenter メイン画面]で「ツール」→「クロマトビューワ」)

- ・ [クロマトビューワ画面] の左ツリー内で、測定したデータフォルダをダブルクリック
- ・ 測定データファイル名を**右クリック** →「開く」→ TIC が表示
- ・イオンが出ている範囲を右ドラッグで囲む → [スペクトルビューワ画面] に目的物の MS が表示される
- ・

 画面左ドラッグで拡大、ダブルクリックで全画面表示に戻る
- ・「ファイル」→「印刷」→ 印刷横向き、プリンタを Epson に指定 →「印刷」
- ・「ファイル」→「印刷」→ 印刷横向き、プリンタを PDF に指定 →「保存」

7. データ処理(HRMS)

重要:質量補正は「質量ドリフト補正」で行い、「質量校正」は触らない.クロマト生データは一時的に 保存しても良いが、必要なデータが揃ったら消去すること

- ・[クロマトビューワ画面] と [スペクトルビューワ画面] を開く
- (測定後は自動で表示される、または [MassCenter メイン画面] で「表示」→「クロマトビューワ」)
- ・ [クロマトビューワ画面] の左ツリー内で、測定したデータフォルダをダブルクリック
- ・ 測定データファイル名を右クリック →「開く」→ TIC が表示
- ・標準物質の出ている範囲を右ドラッグで囲む
- · MSの表示画面で右クリック →「質量電荷比の決定」、新しい画面で「実行」→「閉じる」
- 下に表示されるデアイソトープ MS の画面で右クリック→「質量校正情報の変更」
- ・ 質量ドリフト補正データ(下の段 ← 上の段は触らない)の「変更▼」→「内部質量ドリフト補正」
- 「次へ」→質量参照情報に reserpine か PEGNa を選択 →「完了」
- ・ 4 つのクロマト画面が表示されたら、上タブで「校正」→「自動ピーク割りあて」
 (PEGNa の場合、左タブ内の 1-R および 1-R*値が 10⁻¹¹以下なら OK、必要なら分解能を調整)
- ・「ファイル」→「複製を保存」→ 質量補正データに名前(基準物質+日付)をつけて保存
- 内部ドリフト補正データを閉じる→変更を保存するか聞いてくるので「いいえ」を選択
- ・標準物質の MS 画面を閉じる
- ・[クロマトビューワ画面]で、目的物のイオンが出ている範囲を右ドラッグで囲む
 - → [スペクトルビューワ画面] に目的物の MS が表示される <オプション: [スペクトルビューワ画面] にて「スペクトル」→「質量電荷比の決定」、新しい 画面で「実行」「閉じる」、これによりサンプルのデアイソトープ MS データが得られる>
- ・ MS の表示画面で右クリック → 「質量校正情報の変更」
- ・質量ドリフト補正データ(下の段、上の段は触らない)の「変更▼」→「変更」、上で作成した質量補正
 データを選択して開く →「OK」: 校正された質量が表示される
- ・ 画面左ドラッグで拡大、ダブルクリックで全画面表示に戻る
- ・「ファイル」→「印刷」→ 印刷横向き、プリンタを Epson に指定 →「印刷」
- ・「ファイル」→「印刷」→ 印刷横向き、プリンタを PDF に指定 →「保存」
- 8. TIPS
- ・測定データの削除: Windows 画面の データマネージャ アイコン開き、D: kigoshi1 フォルダ内で操作
- ・ HRMS の分解能調整、Negative 測定、m/z 2000 以上の測定、ESI 以外の測定法 → 北まで相談
- ・イオンが出ない → N₂ ガス流量確認 → シリンジポンプの設定確認 → PEEK チューブを外して詰まっ
 ていないか確認 → ダメなら北まで
- ・機器予約 HP に、メーカーの詳しい操作マニュアル有り